

Dos supercomputadores de Atos colaboran en la investigación mundial sobre el Covid-19 liderada por la Universidad de Stanford

Atos, especialista en transformación digital, ha hecho público que **dos de sus supercomputadores** en Brasil se están utilizando en el desarrollo de vacunas y medicamentos contra el Coronavirus. El sistema "Santos Dumont" pertenece al Laboratorio Nacional de Computación Científica (LNCC), y el "Ogbon", del Centro de Supercomputación SENAI CIMATEC, en Salvador. Ambos equipos están considerados los más potentes de Brasil y de América del Sur y figuran en la **lista TOP500 de los supercomputadores más poderosos del mundo** y colaboran en esta iniciativa, liderada por el Departamento de Química de la Universidad de Stanford, en los Estados Unidos.

El objetivo es contribuir al **proyecto Folding@home**, coordinado por la Universidad, que estudia la evolución del coronavirus en el cuerpo humano en base a la interacción de las proteínas virales, lo que abre el camino para el desarrollo de vacunas y fármacos específicos. Gracias a su alto rendimiento y capacidad y su ubicación pueden utilizarse para el procesamiento paralelo, los cálculos complejos y las tareas extensas e intensivas, procesos que exigen miles de billones de cálculos por segundo.

Instalado en el LNCC, en Río de Janeiro, **el sistema Santos Dumont dedicará el 60% de sus 2 petaflops al proyecto Folding@home**. Por su parte, el Ogbon destinará el 50% de su capacidad -1 petaflops- al proyecto.

"Nuestro propósito es conectar a la gente, la tecnología y los negocios para ayudar a mejorar el mundo en el que vivimos. El uso de nuestros supercomputadores en la batalla contra el avance del Covid-19 es exactamente esto. Estamos muy orgullosos de proporcionar tecnología de alto rendimiento para apoyar y desarrollar investigaciones que pueden salvar millones de vidas", dice **Luis Casuscelli, Director de Big Data y Ciberseguridad de Atos en América del Sur**. "Las máquinas de Atos ya han ayudado a los científicos del LNCC a identificar la fuente de la entrada del virus, y a determinar que cada fuente diferente tiene una característica distinta, lo que ayudará a los científicos e investigadores a crear vacunas más eficaces".